

Demande d'analyse	Exigence protocole	Méthode	Délai réponse ⁽²⁾
BACTERIOLOGIE			
Détection de <i>Clavibacter sepedonicus</i> sur tubercules de pomme de terre par immunofluorescence*	Pdt : environ 200 tubercules	Arrêtés du 22/03/2007	8
Détection de <i>Clavibacter sepedonicus</i> sur tubercules de pomme de terre par PCR*			15
Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> sur tubercules de pomme de terre et plantes hôtes (morelle, tomate, <i>Pelargonium</i> , <i>Begonia</i> ...) par immunofluorescence *			8
Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> sur tubercules de pomme de terre et plantes hôtes (morelle, tomate, <i>Pelargonium</i> , <i>Begonia</i> ...) par PCR *			15
Détection de <i>Clavibacter sepedonicus</i> par isolement et identification de la souche*			70
Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> par isolement et identification de la souche *			15
Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> dans eau et effluent liquide par isolement et identification de la souche *			Minimum 1 litre
Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> dans sol, substrat et effluent solide par isolement et identification de la souche			
Détection d' <i>Erwinia amylovora</i> sur échantillon symptomatique par isolement et identification de la souche*		BL/05/07	-
Détection d' <i>Erwinia amylovora</i> sur échantillon sans symptôme par isolement et identification de la souche		Méthode interne	-
Détection de <i>Xylella fastidiosa</i> sur plantes hôtes par PCR en temps réel*		MA039	15
Identification de la sous espèce de <i>Xylella fastidiosa</i> par MultiLocus Sequence Typing - MLST		Méthode interne	-
Identification de la sous espèce de <i>Xylella fastidiosa</i> sur insectes vecteurs par MultiLocus Sequence Typing - MLST		Méthode interne	-
Détection de <i>Xylella fastidiosa</i> sur plantes hôtes par isolement et identification de la souche		Méthode interne	-
Détection de <i>Xylella fastidiosa</i> sur insectes vecteurs par PCR en temps réel*		MA065	-
Détection de <i>Pantoea stewartii</i> subsp. <i>stewartii</i> sur semences de maïs par isolement et identification de la souche, par PCR et par PCR en temps réel	1000 graines	OEPP PM7/60	-
Détection de <i>Xylophilus ampelinus</i> sur vigne par PCR et par PCR en temps réel		Méthode interne	-
Détection de <i>Xanthomonas arboricola</i> pv. <i>pruni</i> sur plantes ligneuses symptomatiques par isolement et identification de la souche		BL/06/01	-
Détection de <i>Xanthomonas fragariae</i> sur fraisier symptomatique par isolement et identification de la souche		OEPP PM7/65	50
Détection de <i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>actinidiae</i> sur échantillon symptomatique par isolement et identification de la souche		OEPP PM 7/120	15
Détection de <i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>actinidiae</i> sur échantillon sans symptôme par PCR		Méthode interne	15
Détection de <i>Clavibacter insidiosus</i> sur semences de luzerne par immunofluorescence.	5000 graines	Méthode interne	-
Détection de <i>Clavibacter michiganensis</i> subsp. <i>michiganensis</i> sur plants symptomatiques de tomate par immunofluorescence, isolement et identification de la souche		OEPP PM 7/42	-
Détection des bactéries responsables du chancre citrique sur agrumes par isolement et identification de la souche		OEPP PM 7/44	-
Détection autre bactérie par sérologie : immunofluorescence		Méthode interne	Selon la bactérie
Détection autre bactérie par isolement et identification de la souche			
Détection autres bactéries par PCR			
Diagnostic bactérien par isolement et identification de la souche			
Identification de souche bactérienne par tests microbiologiques, sérologique et/ou moléculaire			
Identification de souche bactérienne par test de pouvoir pathogène			

Demande d'analyse	Méthode	Délai réponse ⁽²⁾
VIROLOGIE		
Détection des phytoplasmes de la flavescence dorée (FD) et du bois noir (BN) sur pétiole vigne par PCR en temps réel*	MOA006	30
Détection de bactéries du phloème par biologie moléculaire	Méthodes internes	60
Détection des viroïdes du genre <i>Pospiviroids</i> : <i>Chrysanthemum stunt viroid (CSVd)</i> , <i>Citrus exocortis viroid (CEVd)</i> , <i>Iresine viroid (IrVd)</i> , <i>Pepper chat fruit viroid (PCFVd)</i> , <i>Potato spindle tuber viroid (PSTVd)</i> , <i>Tomato apical stunt viroid (TASVd)</i> , <i>Tomato chlorotic dwarf viroid (TCDVd)</i> , <i>Tomato planta macho viroid (TPMVd)</i> par RT-PCR sur feuilles de plantes hôtes *	MA034	15
Détection du <i>Columnea latent viroid (CLVd)</i> par RT-PCR sur plantes hôtes (feuilles)*		
Détection des viroïdes du genre <i>Pospiviroids</i> : <i>Chrysanthemum stunt viroid (CSVd)</i> , <i>Citrus exocortis viroid (CEVd)</i> , <i>Iresine viroid (IrVd)</i> , <i>Pepper chat fruit viroid (PCFVd)</i> , <i>Potato spindle tuber viroid (PSTVd)</i> , <i>Tomato apical stunt viroid (TASVd)</i> , <i>Tomato chlorotic dwarf viroid (TCDVd)</i> , <i>Tomato planta macho viroid (TPMVd)</i> par RT-PCR sur tubercules de pomme de terre	Méthode interne	15
Détection du virus de la rhizomanie Beet necrotic yellow vein virus (BNYVV) sur plantes hôtes (betteraves, épinards) : racines ou extraits de racines par RT-PCR en temps réel *	MA062	15
Détection du virus de la rhizomanie Beet necrotic yellow vein virus (BNYVV) sur racines de betterave et épinard par RT-PCR en temps réel	Méthode interne	15
Détection du Tomato brown rugose fruit virus (ToBRFV) par RT-PCR en temps réel sur feuilles, fruits et semence de plantes hôtes*	MA066	15
Diagnostic d'agents pathogènes de type virus, viroïdes et bactéries du phloème	Méthode interne	15 (pour méthode en routine) ou selon demande
Identification des virus, viroïdes et bactéries du phloème par analyse de séquence(s) nucléotidique(s)		
Détection de virus par méthode sérologique		
Détection de virus et viroïdes par biologie moléculaire		
Détection par indexage biologique		
Détection par microscopie électronique à transmission		

Demande d'analyse	Exigence protocole	Méthode	Délai réponse ⁽²⁾
OGM			
Préparation des échantillons , extraction d'ADN et PCR quantitative du gène endogène (maïs : Hmg a*)	Semences : 3000 (maximum 10 000) Feuilles : 5 (maximum 25)	Méthodes internes	45 jours pour les semences ; 15 jours pour les feuilles
Criblage maïs : Détection des éléments de criblage P35S*, Tnos*, pat*, bar* et CTP2-CP4-EPSPS* et recherche des événements LY038*, DAS40278-9*, 98140*, VCØ-1981-5*			
Identification maïs : Détection d'événements de transformation listés dans la portée d'accréditation et/ou CaMV			
Quantification maïs : Quantification d'événements de transformation (Bt11, NK603, MON810, MON863*, GA21, TC1507, DAS-59122-7 et MIR604)			
Détection et/ou quantification d'OGM sur autre espèce (tomate, pomme de terre, betterave, riz, coton, blé, espèces potagères, pétunia)	Contacter le laboratoire		

Les méthodes internes utilisées par l'unité ont fait l'objet d'une validation au sens de la norme ISO 17025.

* L'accréditation COFRAC atteste uniquement de la compétence du laboratoire pour les essais identifiés par un astérisque sur le présent document.

- (1) En cas de blocage sous douane dûment signalé, les échantillons sont traités en priorité.
- (2) Délai en jours ouvrés pour la mise en œuvre de l'analyse, du jour de la réception au jour de l'édition du rapport d'analyse (résultats), non compris le délai de distribution postale et situation de crise sanitaire.