

Laboratoire de la santé des végétaux – Unité de bactériologie, virologie et OGM d’Angers

Offre de prestations – volet 3 : Analyses réalisées au laboratoire⁽¹⁾

Demande d'analyse	Exigence protocole	Méthode	Délai réponse ⁽²⁾
BACTERIOLOGIE			
B01- Détection de <i>Clavibacter sepedonicus</i> par isolement et identification de la souche - sous couvert de l'accréditation COFRAC*		Arrêtés du 22/03/2007	70
B02- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> par isolement et identification de la souche - sous couvert de l'accréditation COFRAC*			
B04- Détection d' <i>Erwinia amylovora</i> sur échantillon symptomatique par isolement et identification de la souche - sous couvert de l'accréditation COFRAC*		BL/05/07	20
B05- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> sur plante hôte par immunofluorescence (morelle, tomate, <i>Pelargonium</i> , <i>Begonia...</i>) - sous couvert de l'accréditation COFRAC*		Arrêté du 22/03/2007	15
B05 bis- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> sur plante hôte par PCR (morelle, tomate, <i>Pelargonium</i> , <i>Begonia...</i>) - sous couvert de l'accréditation COFRAC*			15
B06 – Détection de <i>Xanthomonas arboricola</i> pv. <i>pruni</i> sur plantes ligneuses symptomatiques par isolement et identification de la souche		BL/06/01	15
B07- Détection de <i>Xylophilus ampelinus</i> sur vigne par PCR		Méthode interne	15
B08- Détection de <i>Clavibacter michiganensis</i> subsp. <i>michiganensis</i> sur plants symptomatiques de tomate par immunofluorescence, isolement et identification de la souche		OEPP PM 7/42	15
B09- Détection d' <i>Erwinia amylovora</i> sur échantillon sans symptôme par isolement et identification de la souche		Méthode interne	20
B10- Détection des bactéries responsables du chancre citrique sur agrumes par isolement et identification de la souche		OEPP PM 7/44	15
B11- Détection de <i>Xanthomonas fragariae</i> sur fraisier symptomatique par isolement et identification de la souche		OEPP PM7/65	20
B12bis- Détection de <i>Xylella fastidiosa</i> sur plantes hôtes par isolement et identification de la souche		Méthode interne	15-60
B12ter- Détection de <i>Xylella fastidiosa</i> sur plantes hôtes par PCR en temps réel- sous couvert de l'accréditation COFRAC*		MA039	15
B12 quint- Identification de la sous espèce de <i>Xylella fastidiosa</i> par MultiLocus Sequence Typing - MLST (Yuan <i>et al.</i> , 2010)		Méthode interne	20
B12 quintM- Identification de la sous espèce multiplex de <i>Xylella fastidiosa</i> par MultiLocus Sequence Typing - MLST (Yuan <i>et al.</i> , 2010)		Méthode interne	20
B12 quintP- Identification de la sous espèce pauca de <i>Xylella fastidiosa</i> par MultiLocus Sequence Typing - MLST (Yuan <i>et al.</i> , 2010)		Méthode interne	20
B12 quintS- Identification de la sous espèce sandyi de <i>Xylella fastidiosa</i> par MultiLocus Sequence Typing - MLST (Yuan <i>et al.</i> , 2010)		Méthode interne	20
B12 six- Détection de <i>Xylella fastidiosa</i> sur insectes vecteurs par PCR en temps réel		MA065	20
B13- Détection d'autre bactérie par isolement et identification de la souche		Méthode interne	Selon la bactérie
B14- Détection de <i>Clavibacter sepedonicus</i> sur tubercules de pomme de terre par immunofluorescence - sous couvert de l'accréditation COFRAC*	environ 200 tubercules	Arrêtés du 22/03/2007	8
B14 bis- Détection de <i>Clavibacter sepedonicus</i> sur tubercules de pomme de terre par PCR - sous couvert de l'accréditation COFRAC*			15
B15- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> sur tubercules de pomme de terre par immunofluorescence - sous couvert de l'accréditation COFRAC*			8
B15 bis- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> sur tubercules de pomme de terre par PCR - sous couvert de l'accréditation COFRAC*			15
B16- Détection de <i>Clavibacter michiganensis</i> subsp. <i>michiganensis</i> sur semences de tomate par immunofluorescence- sous couvert de l'accréditation COFRAC*	5000 graines	BH/06/01	15
B19 – Détection de <i>Clavibacter insidiosus</i> sur semences de luzerne par immunofluorescence.	5000 graines	Méthode interne	15
B20- Détection de <i>Pantoea stewartii</i> subsp. <i>stewartii</i> sur semences de maïs par isolement et identification de la souche	1000 graines	OEPP PM7/60	15
B20 Bis- Détection de <i>Pantoea stewartii</i> subsp. <i>stewartii</i> sur semences de maïs par PCR temps réel	1000 graines	OEPP PM7/60	15
B24- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> dans eau et effluent liquide par isolement et identification de la souche - sous couvert de l'accréditation COFRAC*	Minimum 1 litre	Arrêté du 22/03/2007	15
B25- Détection de <i>Ralstonia solanacearum</i> dans sol, substrat et effluent solide par isolement et identification de la souche			
B26- Diagnostic bactérien par isolement et identification de la souche		Méthodes internes	25
B27- Identification de souche bactérienne par tests microbiologiques, sérologique et/ou moléculaire		Selon la bactérie	Selon la bactérie
B30- Détection de <i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>actinidiae</i> sur échantillon symptomatique par isolement et identification de la souche		OEPP PM 7/120	15
B31- Détection de <i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>actinidiae</i> sur échantillon sans symptôme par PCR		Méthode interne	15
B32- Détection autres bactéries par PCR (méthode interne)		Selon la bactérie	Selon la bactérie
B33- Détection autres bactéries par sérologie : immunofluorescence ou ELISA (méthode interne)		Selon la bactérie	Selon la bactérie

Laboratoire de la santé des végétaux – Unité de bactériologie, virologie et OGM d'Angers

Offre de prestations – volet 3 : Analyses réalisées au laboratoire⁽¹⁾

Demande d'analyse	Méthode	Délai réponse ⁽²⁾
VIROLOGIE		
DETECTION DE VIRUS		
V01 - Détection de virus par méthode sérologique	Méthode interne	Selon demande
V14 -Détection du Beet necrotic yellow vein virus (BNYVV) (agent de la rhizomanie) sur plantes hôtes (betterave, épinard) par la technique sérologique ELISA- sous couvert de l'accréditation COFRAC*	MA056	15
V18 -Détection du virus de la rhizomanie Beet necrotic yellow vein virus (BNYVV) de la betterave par RT-PCR en temps réel	MA062	
V19 – Détection du Tomato brown rugose fruit virus (ToBRFV) par RT-PCR en temps réel sur plantes hôtes	MA066	
DETECTION DE VIROIDES		
V06 - Détection des viroïdes du genre <i>Pospiviroids</i> : <i>Chrysanthemum stunt viroid (CSVd)</i> , <i>Citrus exocortis viroid (CEVd)</i> , <i>Iresine viroid (IrVd)</i> , <i>Pepper chat fruit viroid (PCFVd)</i> , <i>Potato spindle tuber viroid (PSTVd)</i> , <i>Tomato apical stunt viroid (TASVd)</i> , <i>Tomato chlorotic dwarf viroid (TCDVd)</i> , <i>Tomato planta macho viroid (TPMVd)</i> par RT-PCR sur feuilles de plantes hôtes - sous couvert de l'accréditation COFRAC*	MA034	15
V06 bis - Détection des viroïdes du genre <i>Pospiviroids</i> : <i>Chrysanthemum stunt viroid (CSVd)</i> , <i>Citrus exocortis viroid (CEVd)</i> , <i>Iresine viroid (IrVd)</i> , <i>Pepper chat fruit viroid (PCFVd)</i> , <i>Potato spindle tuber viroid (PSTVd)</i> , <i>Tomato apical stunt viroid (TASVd)</i> , <i>Tomato chlorotic dwarf viroid (TCDVd)</i> , <i>Tomato planta macho viroid (TPMVd)</i> par RT-PCR sur tubercules de pomme de terre	Méthode interne	15
V11 - Détection du <i>Columnea latent viroid (CLVd)</i> par RT-PCR sur plantes hôtes (feuilles) - sous couvert de l'accréditation COFRAC*	MA034	15
DETECTION DE BACTERIES DU PHLOEME		
V07 - Détection de bactéries du phloème par biologie moléculaire	Méthodes internes	60
V10bis - Détection des phytoplasmes de la flavescence dorée (FD) et du bois noir (BN) sur pétiole vigne par PCR en temps réel-sous couvert de l'accréditation COFRAC*	MOA006	30
DIVERS		
V12 - Détection autre virus et viroïdes par biologie moléculaire	Méthodes internes	15 (pour méthode en routine) ou selon demande
V16 - Diagnostic d'agents pathogènes de type virus, viroïdes, bactéries du phloème par microscopie électronique à transmission et/ou indexage biologique sur hôtes herbacés et/ou biologie moléculaire et/ou méthode sérologique		Selon demande
V17 - Identification des virus, viroïdes et bactéries du phloème par analyse de séquence(s) nucléotidique(s)		15

Demande d'analyse	Exigence protocole	Méthode	Délai réponse ⁽²⁾
OGM			
O01- Préparation des échantillons , extraction d'ADN et PCR quantitative du gène endogène (maïs : Hmg a*)	Semences : 3000 (maximum 10 000) Feuilles : 5 (maximum 25)	Méthodes internes	45 jours pour les semences ; 15 jours pour les feuilles
O02- Criblage maïs : Détection des éléments de criblage P35S*, Tnos*, pat*, bar* et CTP2-CP4-EPSPS* et recherche des événements LY038*, DAS40278-9*, 98140*, VCØ-1981-5*			
O03- Identification maïs : Détection d'événements de transformation listés dans la portée d'accréditation et/ou CaMV			
O04- Quantification maïs : Quantification d'événements de transformation (Bt11, NK603, MON810, MON863*, GA21, TC1507, DAS-59122-7 et MIR604)			
O07 - Détection et/ou quantification d'OGM sur autre espèce (tomate, pomme de terre, betterave, riz, coton, blé, espèces potagères, pétunia)	Contacter le laboratoire		

Les méthodes internes utilisées par l'unité ont fait l'objet d'une validation au sens de la norme ISO 17025.

* L'accréditation COFRAC atteste uniquement de la compétence du laboratoire pour les essais identifiés par un astérisque sur le présent document.

(1) En cas de blocage sous douane dûment signalé, les échantillons sont traités en priorité.

(2) Délai en jours ouvrés pour la mise en œuvre de l'analyse, du jour de la réception au jour de l'édition du rapport d'analyse (résultats), non compris le délai de distribution postale et situation de crise sanitaire.

